

## KİŞİSEL BİLGİLER



## Müşerref Duygu Saçar Demirci

Barbaros Mahallesi, Erkilet Blv. Sümer Kampüsü B223, 38080 Kocasinan/Kayseri Türkiye

[duygu.sacar@agu.edu.tr](mailto:duygu.sacar@agu.edu.tr)

Doğum Tarihi 22/03/1988

## İŞ DENEYİMİ

09/04/2018 –

## Doktor Öğretim Üyesi

Abdullah Gül Üniversitesi, Biyoenformatik Bölümü, Kayseri/Türkiye

29/02/2012–07/07/2017

## Araştırma Görevlisi

İzmir Yüksek Teknoloji Enstitüsü Moleküler Biyoloji ve Genetik Bölümü, İzmir/Türkiye

MBG 403 Hesaplamalı Biyoloji dersi asistanlığı (2012-Güz dönemi)

MBG 112 Genel Biyoloji Laboratuvarı dersi asistanlığı (2013-Bahar dönemi)

MBG 403 Hesaplamalı Biyoloji dersi asistanlığı (2014-Bahar dönemi)

MBG 212 Genel Biyoloji Laboratuvarı II dersi asistanlığı (2014-Güz dönemi)

MBG 403 Hesaplamalı Biyoloji dersi asistanlığı (2015-Bahar dönemi)

MBG 305 Uygulamalı Biyoinformatik dersi asistanlığı (2015-Güz dönemi)

MBG 403 Hesaplamalı Biyoloji dersi asistanlığı (2016-Bahar dönemi)

MBG 305 Uygulamalı Biyoinformatik dersi asistanlığı (2016-Güz dönemi)

MBG 403 Hesaplamalı Biyoloji dersi asistanlığı (2017-Bahar dönemi)

2014–2017

## Bursiyer

Proje: A Datawarehouse for the analysis of Micro-RNA metabolic network control

Destekleyen kurum: TÜBİTAK – BMBF (program: 2525)

Proje Yürütücülere: Doç. Dr. Jens Allmer, İzmir Yüksek Teknoloji Enstitüsü

Prof. Dr. Ralf Hofstaedt, Bielefeld Üniversitesi

## EĞİTİM VE ÖĞRETİM

2014–2017

## Doktora

Tez Başlığı: Computational establishment of microRNA metabolic networks

İzmir Yüksek Teknoloji Enstitüsü, Moleküler Biyoloji ve Genetik Bölümü

Danışman: Doç. Dr. Jens Allmer

2011–2013

## Yüksek Lisans

Tez Başlığı: An Integrative Data Mining Approach for MicroRNA Detection in Human

İzmir Yüksek Teknoloji Enstitüsü, Moleküler Biyoloji ve Genetik Bölümü

Danışman: Doç. Dr. Jens Allmer

06/2010–08/2010

## Staj

Max Planck Institute for Molecular Genetics, Otto-Warburg-Laboratorium, Berlin (Almanya)

Danışman: Dr. Michael Lappe

2006–2011

**Lisans**

İzmir Yüksek Teknoloji Enstitüsü, Moleküler Biyoloji ve Genetik Bölümü

**KİŞİSEL BECERİLER**

 Ana dil(ler)  
Yabancı diller

Türkçe

	ANLAMA		KONUŞMA		YAZILI ANLATIM
	Dinleme	Okuma	Karşılıklı Konuşma	Sözlü Anlatım	
İngilizce	C2	C2	C2	C2	C2
2013 YDS Sonbahar Dönemi Notu: 95, Seviye: A 2016 YDS Sonbahar Dönemi Notu: 92,5 Seviye: A					

 Seviyeler: A1/2 Temel Seviye Kullanıcı - B1/2: Orta Seviye Kullanıcı - C1/2: İleri Seviye Kullanıcı  
Avrupa Dilleri Öğretimi Ortak Çerçeve Programı

Organizasyonel/ yönetimsel beceriler

6th International Symposium on Health Informatics and Bioinformatics, İzmir, Türkiye, Organizasyon komitesi üyeliği (2011)

3rd International Workshop on Translational Bioinformatics and Health Informatics, İzmir, Türkiye, Çalıştay düzenleme komitesi üyeliği (2014)

Bilgisayar becerileri

KNIME (ileri seviye), Orange Canvas (ileri seviye), RapidMiner (ileri seviye), Microsoft Office™ (ileri seviye), R (orta seviye), Weka (iyi), Vienna RNA Package (iyi), Matlab (temel), Python (temel)

**İLAVE BILGI**

Yayınlar

**SCI**

Acar İE, Saçar Demirci MD, Groß U and Allmer J (2018), The Expressed MicroRNA - mRNA Interactions of Toxoplasma gondii, Frontiers in Microbiology, section Systems Microbiology.

Saçar Demirci MD, Baumbach J and Allmer J (2017), On the performance of pre-microRNA detection algorithms, Nature Communications.

Saçar Demirci MD and Allmer J (2017), Delineating the impact of machine learning elements in pre-microRNA detection, PeerJ, (atf sayısı: 2).

Khalifa W, Yousef M, Saçar Demirci MD and Allmer J (2016) The impact of feature selection on one and two-class classification performance for plant microRNAs, PeerJ, (atf sayısı: 2).

**ESCI**

Saçar Demirci MD and Allmer J (2017), Improving the Quality of Positive Datasets for the Establishment of Machine Learning Models for pre-microRNA Detection, Journal of Integrative Bioinformatics.

Saçar Demirci MD, Toprak M and Allmer J (2016), A Machine Learning Approach for MicroRNA Precursor Prediction in Retro-transcribing Virus Genomes, Journal of Integrative Bioinformatics, (atf sayısı:2).

**Alan indeksli**

Saçar Demirci, MD (2017), Computational identification of microRNAs from ssDNA viruses, Anadolu University Journal of Science and Technology A - Applied Sciences and Engineering (gönderildi).

Yousef M, Saçar Demirci MD, Khalifa W and Allmer J (2016) Feature Selection has a Large Impact on One-Class Classification Accuracy for MicroRNAs in Plants, Advances in Bioinformatics, (atf sayısı: 5)

Saçar MD, Bağcı C and Allmer J (2014) Computational Prediction of MicroRNAs from Toxoplasma gondii Potentially Regulating the Hosts' Gene Expression, Genomics, Proteomics &amp; Bioinformatics Volume 12, Issue 5, October 2014, Pages 228–238, (atf sayısı :18).

Saçar MD and Allmer J (2013) Current Limitations for Computational Analysis of miRNAs in Cancer, Pakistan Journal of Clinical and Biomedical Research, 1(2): 3-5, (atf sayısı: 8).

Saçar MD and Allmer J (2013) Data Mining for MicroRNA Gene Prediction: On the Impact of Class Imbalance and Feature Number for MicroRNA Gene Prediction, IEEE Xplorer, doi:10.1109/HIBIT.2013.6661685, (atf sayısı: 8).

Saçar MD, Hamzeiy H and Allmer J (2013) Can MiRBase Provide Positive Data for Machine Learning

for the Detection of MiRNA Hairpins? Journal of Integrative Bioinformatics,10(2):215-226, doi:10.2390/biecoll-jib-2013-215, (atıf sayısı: 24).

Saçar MD and Allmer J (2013) "Comparison of Four Ab Initio MicroRNA Prediction Tools", 4th International Conference on Bioinformatics Models, Methods and Algorithms,BIOINFORMATICS 2013, Barcelona, Spain, doi:10.5220/0004248201900195, (atıf sayısı: 10).

#### Kitap Bölümleri

Saçar Demirci MD, Bağcı C and Allmer J (2016), Differential Expression of *Toxoplasma gondii* MicroRNAs in Murine and Human Hosts, Springer, Non-coding RNAs and Inter-kingdom Communication (atıf sayısı: 2).

Saçar MD and Allmer J (2013), Machine Learning methods for miRNA Gene prediction, Humana Press, miRNomics: MicroRNA Biology and Computational Analysis, Methods in Molecular Biology. ISBN: 978-1627037471 (atıf sayısı: 11)

Biyoenformatikte Dizi Kıyaslaması (Sequence Alignment in Bioinformatics) (2012), Chapter 14 Blast Algoritması (Blast Algorithm), Nobel Publishing, Ankara, Turkey, ISBN: 978-605-133-297-0.

#### Sunumlar

Saçar Demirci MD. A Machine Learning Approach for MicroRNA Precursor Prediction in Retro-transcribing Virus Genome, International Symposium on Integrative Bioinformatics 2016, 12th annual meeting, 21-23 Eylül 2016, Bielefeld Almanya.

Saçar, MD. Predictive Power of Features Used for miRNA Prediction, International Symposium on Health Informatics and Bioinformatics (HIBIT'12), Translational Bioinformatics Workshop, 22.04.2012, Türkiye.

Saçar MD and Allmer J (2014) An Integrative Data Mining Approach for MicroRNA Detection in Human, 3rd International Workshop on Translational Bioinformatics and Medical Informatics, İzmir,Türkiye.

#### Editörlük

Allmer J, Brinkrolf C, Hofstaedt R and Saçar Demirci MD, eds. Computational Systems Biology - German/Russian/Turkish Network of Bioinformatics,Shaker Verlag .

#### Poster

Hamzeiy H, Saçar MD, and Allmer J (2012) "A Closer Look at Features Used in In Silico miRNA Hairpin Fingerprinting and Predicting", 7th International Symposium on Health Informatics and Bioinformatics, Kapadokya, Türkiye.

Hamzeiy H, Saçar MD, and Allmer J (2012) "The Predictive Power of Specific Features Used for miRNA Discovery", 7th International Symposium on Health Informatics and Bioinformatics, Kapadokya, Türkiye.

Saçar MD, Allmer J (2013) "A Novel Negative Dataset for Classification-based MicroRNA Detection", 8th International Symposium on Health Informatics and Bioinformatics, Ankara, Türkiye.

Saçar MD, Allmer J (2013) "Effect of imbalanced training data on testing and generalization performance", ISMB/ECCB - ISCB Student Council Symposium 2013, Berlin, Almanya.

#### Google Scholar

##### Müşerref Duygu Saçar Demirci

Belge: 18

Atıf: 108

h-indeks: 6

i10-indeks: 4

#### Scopus

##### Müşerref Duygu Saçar Demirci

Belge: 11

Atıf: 55

h-indeks: 5

#### Web of Science

Belge: 7

Atıf: 12

h-indeks: 2